

上海科技大学组学分析平台服务收费标准

服务项目	学术/科研单位	非学术单位
样品制备		
蛋白胶内消化	180¥/样品	220¥/样品
蛋白溶液消化	450¥/样品	600¥/样品
SILAC 蛋白消化	600¥/样品	800¥/样品
磷酸化富集（不含蛋白消化）	450¥/样品	600¥/样品
4-plex iTRAQ/6-plexTMT 标记（不含蛋白消化）	750¥/样品	1000¥/样品
8-plex iTRAQ/10-plex TMT 标记（不含蛋白消化）	1000¥/样品	1200¥/样品
离线分离（10 个组分）	450¥/样品	600¥/样品
离线分离（20 个组分）	750¥/样品	1000¥/样品
组织代谢组学样品制备	300¥/样品	400¥/样品
小分子/代谢组学方法开发 ³	1500¥/样品	2000¥/样品
其他代谢组学样品制备	150¥/样品	200¥/样品
平台自助胶内/溶液酶解/ SILAC 消化	150¥/样品	150¥/样品
LC-MS/MS 费用		
LC-MS/MS （QE HF-X）	440¥/小时	440¥/小时
LC-MS/MS （Q Exactive HF）	400¥/小时	400¥/小时
LC-MS/MS （Orbitrap Fusion）	400¥/小时	400¥/小时
LC-MS/MS (TripleTOF 6600)	600¥/小时	600¥/小时
LC-MS/MS (QTRAP 6500+)	600¥/小时	600¥/小时
高级数据分析		
LC-MS/MS	1500¥/批	2000¥/批

备注：

1. LC-MS/MS，如果不足 1 小时，按照精确时间计算。
2. iTRAQ 和 TMT 试剂的价格按照单次使用试剂盒的市场价格收取。
3. 小分子/代谢组学方法开发：标准品数量以 5 个单位。例如 5-10 个标准品，收费为 1000 ×2，以此类推。
4. 标准的数据信息分析，例如蛋白鉴定和纯化蛋白的磷酸化鉴定，不额外收费。其他高级信息分析包括突变分析、蛋白定量或者翻译后修饰分析等，每个样品增加 120¥。
5. 凡是使用本平台所产生数据发表文章的，须致谢本平台。
6. 合作单位可协商优惠价格。